

# ゲノム解析

リシーケンス解析  
は裏面に



## ドラフトゲノム解析

### 1.バクテリアとアーキア

価格	<b>200,000円</b> (税別) ※数量割引有
納期	4週間
ご提供サンプル	抽出ゲノムDNA (20ng/ul, 1ug以上)
作業内容	<ul style="list-style-type: none"><li>・シーケンスライブラリー作製</li><li>・MiSeqを用いた300bpペアエンド解析</li><li>・リードのアセンブル</li><li>・ソフトウェアによるオートアノテーション prokka (ソフトウェア) を使用して得られた予測遺伝子配列とタンパク質配列、 遺伝子の位置情報(gff形式データ)をご提供します。</li></ul>
データ解析 オプション	<ul style="list-style-type: none"><li>◆マニュアルアノテーション オートアノテーションから得られた予測遺伝子をKEGGやGOデータベースに登録されて いる配列と比較することで、得られた予測遺伝子にKEGG_IDやGO_IDを対応させます。 価格: +100,000円(税別) 納期: +1週間</li></ul>

### 2.真核生物

	ゲノムサイズ50Mb以下 注1)	ゲノムサイズ50Mb以上 注2)
価格	<b>250,000円</b> (税別) ※数量割引有	<b>300,000円</b> ~(税別)
納期	4週間	8週間~
ご提供サンプル	抽出ゲノムDNA (20ng/ul, 1ug以上)	
作業内容	<ul style="list-style-type: none"><li>・シーケンスライブラリー作製</li><li>・MiSeqを用いた300bpペアエンド解析</li><li>・リードのアセンブル</li></ul>	<ul style="list-style-type: none"><li>・シーケンスライブラリー作製</li><li>・HiSeqを用いた250bpあるいは150bp ペアエンド解析</li><li>・リードのアセンブル</li></ul>
データ解析 オプション	<ul style="list-style-type: none"><li>◆Exonerateを用いたEvidence-baseの遺伝子予測 価格: +50,000円(税別) ※遺伝子モデルに使用する遺伝子配列を送付いただく必要がございます。</li><li>◆RNA-seqを用いた遺伝子予測 価格: +100,000円(税別) 納期: +1週間 ※サンプル送付時にトータルRNAも送付いただく必要がございます。</li></ul>	

注1) 倍数性の生物種の場合、お断りさせていただく場合があります(お見積り作成の段階で判断させていただきます)。

注2) ゲノムサイズやゲノムの構造によって価格と納期が決まります。