



# WES & WGS

Whole exome sequence

Whole genome sequence

ヒト エキソーム解析

ヒト 全ゲノム解析

		ヒトエキソーム解析	ヒト全ゲノム解析
価格(税別) と作業内容	ライブラリー調製～ シーケンシング解析	100,000円/サンプル データ量 10Gb  ・送付サンプルの濃度測定(蛍光法による2本鎖DNAの定量) ・シーケンスライブラリー作製 ・シーケンシング解析(DNBSEQ-G400 100bpペアエンド解析)	200,000円/サンプル データ量 1レーン占有(75-80Gb程度)
	標準データ解析 (参照配列へのマッピング、SNV/InDel)	1-2サンプル:25,000円/サンプル 3-4サンプル:23,000円/サンプル 5-7サンプル:20,000円/サンプル 8サンプル～:17,000円/サンプル  1.FastQCで塩基の品質を確認します。 2.BWAでHuman Reference Genomeに対しマッピングを行い、samファイルを生成します。 ※Human Reference Genomeは、hg19またはhg38のどちらかをご指定ください。 3.Samtoolsでbam形式へ変換します。※cram形式も可能です。 4.GATKパイプラインでduplicatesリードを除いた後、配列品質を再評価して、vcfを生成します。 5.得られた変異にアノテーション情報を付加します。	1-2サンプル:50,000円/サンプル 3-4サンプル:48,000円/サンプル 5-7サンプル:46,000円/サンプル 8サンプル～:44,000円/サンプル
	オプションデータ解析 (構造変異解析)	※5サンプル以上のみ対応 5-7サンプル:16,000円/サンプル 8サンプル～:14,000円/サンプル  1.Speedseqでマッピングを行い、bamファイルを生成します。 2.manta(エキソーム解析)またはlumpy(全ゲノム解析)で構造変異をコールします。 ※ご希望のソフトやツールがある場合は、ご相談ください。	1-2サンプル:20,000円/サンプル 3-4サンプル:18,000円/サンプル 5-7サンプル:16,000円/サンプル 8サンプル～:14,000円/サンプル
	納品用HDD	10,000円 ※お手持ちのHDDを送付いただく場合は0円	10,000円 ※お手持ちのHDDを送付いただく場合は0円
納期	データ解析なし 20営業日 データ解析あり 30営業日 ※10サンプル以上は要相談	データ解析なし 20営業日 データ解析あり 40営業日 ※10サンプル以上は要相談	
ご提供サンプル	抽出ゲノムDNA※1 (>10 ng/ul, >20 ul) ※濃度は、蛍光法を用いた2本鎖DNAの定量結果を基準としています。  260nmの吸光度ベースで定量されている場合 上記より高めの濃度(可能であれば、>100 ng/ul)で送っていただく必要があります。 DNAの質は一般的な260/280が1.8以上が望ましいです。		
ご提供情報	<ul style="list-style-type: none"> <li>・サンプル情報提供用紙</li> <li>・オーダーシート</li> </ul> } お見積時にこれらのファイルをメール添付でお送りしますので、ご記入の上、サンプル送付時に送信ください。		

※1 試料を送付いただき、弊社でDNA抽出を行うことも可能です(DNA抽出:10,000円/サンプル、納期:5営業日追加)。