ロングリードシーケンサー

PacBio® Revio/Sequel IIe を用いた遺伝子解析

HiFiリードを用いた メチル化解析

バイサルファイト処理なしで、キネティクス情報を含むデータを得ることが可能

原核生物は 4mC と 6mA、真核生物は 5mC を対象として解析を実施

解析対象	ゲノムサイズ※1		価格（税別）	納期	納品形態
原核生物	ゲノムサイズ 4 Mb 以下	1~3 サンプル ご依頼の場合	**140,000 円 / サンプル**	5 サンプルまで 40 営業日 6 サンプル以上は、35 営業日 ＋1 営業日 × サンプル数	ダウンロード（4 GB を超える場合は記録媒体に変更となります）
		4~7 サンプル ご依頼の場合	**130,000 円 / サンプル**		
		8 サンプル以上 ご依頼の場合	**120,000 円 / サンプル**		
	ゲノムサイズ 20 Mb 以下		**170,000 円 / サンプル**		
真核生物	ゲノムサイズ 50 Mb 以下		**170,000 円 / サンプル**	35 営業日 ＋5 営業日 × サンプル数	記録媒体
	ゲノムサイズ 100 Mb 以下		**245,000 円 / サンプル**		
	ゲノムサイズ 300 Mb 以下		**395,000 円 / サンプル**		
	ゲノムサイズ 1Gb 以下		**545,000 円 / サンプル**		
1 セル占有プラン※2			**820,000 円 / セル**	2 セルまで 35 営業日 ＋5 営業日 × サンプル数	記録媒体

※1　ご依頼時にゲノムサイズをお知らせください。原核生物はゲノムサイズの 50 倍、真核生物はゲノムサイズの 20 倍のデータを取得します。

※2　1 セル占有の取得データ量は 50 Gb 程度です。サンプルに依存するため、データ量の保証はできません。1 サンプル分のライブラリー調製費用は上記に含まれています。複数サンプルご依頼の場合は、2 サンプル目以降からライブラリー調製費用 70,000 円 / サンプルが別途必要です。また、ゲノムサイズ 2.5 Gb 超の生物を解析する場合は、ゲノムサイズに応じて複数セルでのシーケンシング解析が必要になります。

オプション（DNA抽出）

項目	備考	価格（税別）	追加納期
DNA抽出（ロングリード用）	Genomic-tip（QIAGEN）等の長鎖 DNA 用抽出キットを用いて、DNA 抽出を行います。 ●菌体の場合 ご提供いただくサンプル量の目安は、細胞数 5×10^9 以上、湿重量 100 mg 以上です。ただし、菌種によっては DNA 抽出効率が悪いものもありますので、多めに送付していただくのがよいです。また、死菌が増えてくると DNA が断片化されてしまいますので、死菌の少ない対数増殖期に集菌をお願いします。菌体ペレットを -80℃保管後、ドライアイスを同梱して、冷凍便でお送りください。 ●菌体以外の場合 菌体と同様、多めにご送付ください。採取後速やかに -80℃保管後、ドライアイスを同梱して、冷凍便でお送り下さい。	30,000円/サンプル	5営業日

株式会社 生物技研
〒252-0154　神奈川県相模原市緑区長竹 657
TEL 042-780-8333　FAX 042-780-8334
＜見積り依頼･お問合せ＞ dna@gikenbio.com

作業内容	・送付サンプルのDNA濃度測定（蛍光法による2本鎖DNAの定量・吸光度によるDNAの定量・電気泳動） ・シーケンスライブラリー作製（PCRフリーのライブラリー作製） ・シーケンシング解析（PacBio Revio または Sequel IIeを用いてHiFiリードを取得） ・メチル化解析 **<原核生物のメチル化解析内容>** **4mCと6mAを対象として、塩基のメチル化の確率を計算し、メチル化モチーフを同定します。** **＜真核生物のメチル化解析内容＞** **参照配列にマッピング後、5mCを対象として、塩基のメチル化の確率を計算します** **（真核生物の場合、参照配列は必ず必要です）。**
ご提供サンプル	**1. DNA量** 濃度 50 ng/ul 以上、総量 4 ug 以上 ※メチル化解析の場合は、PCR をしないライブラリー調製のため、上記の通り DNA が多く必要です。 ※複数セル占有でご依頼の場合は、1 セルごとに 上記の DNA 量が必要です。 **2. DNAの品質** 受け入れ後の電気泳動装置（Fragment Analyzer）を用いた品質確認で以下すべてを満たすこと ・GQN が 5 以上 ・平均長 15 kb 以上 ・低分子が見られないこと ＜お客様で事前に確認する場合＞ A260/230 は 2.0 以上、A260/280 は 1.8 以上であること。また、電気泳動で 20 kb 以上にバンドが見えていることが望ましいです。 **3.バッファー** ヌクレアーゼ活性を抑えて DNA 分解を抑えられる TE buffer がお勧めです。 TE buffer 以外を使用される場合は、吸光度による純度測定の際のブランク用に溶出バッファー 100 ul 程度をサンプルと一緒にご送付ください。 **4.送付方法** 保管時と同じ温度帯（冷蔵または冷凍）でお送りください。 また、輸送中の大きな揺れによる物理的なせん断を避けるために、 梱包の際はサンプルチューブを緩衝材で包んでご送付ください。 長いリードを得るためには 断片化されていないDNAが 必要ってことらしい
納品物	・報告書 ・シーケンス生データ（fastq&bam形式） ・DDBJのデータベース登録に必要なデータ ・メチル化解析結果
ご依頼の流れ	まずは、お見積りをご依頼ください。弊社HPにお見積り依頼フォームをご用意しています。