

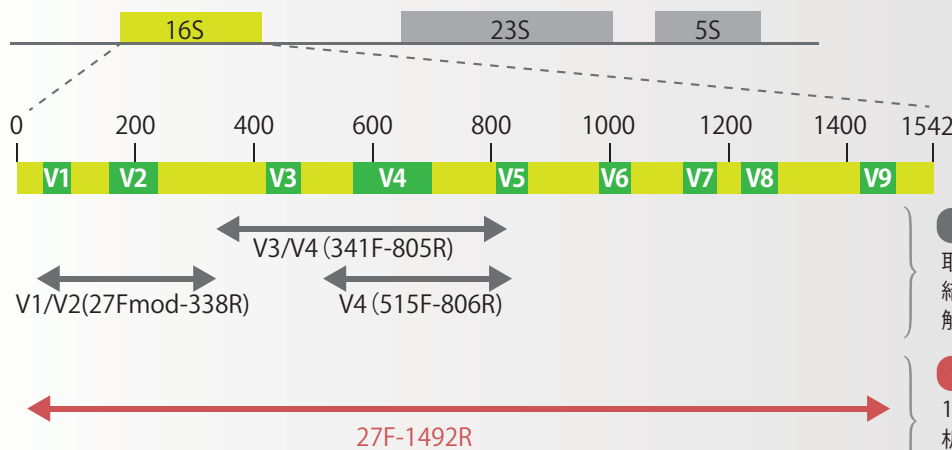
OxfordNanopore社の GridION X5 を使用した 受託解析をはじめました。



アンプリコンシーケンスによる菌叢解析

16S rRNA全長解析・ITS全長解析で 種レベルの菌叢解析が可能に。

16S rRNAの菌叢解析



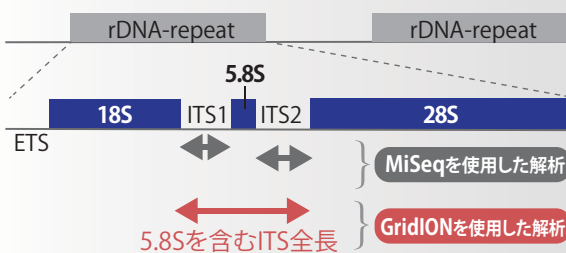
MiSeq(illumina)を使用した解析

取得できるのは最長500bp強の結合配列のため、属レベルまでの解析でした。

GridION(OxfordNanopore)を使用した解析

16r rRNAの全長(約1500bp)を解析対象とするので種レベルでの菌叢解析結果が得られます。

ITSの菌叢解析



価格

50,000円/サンプル(税別)

3サンプル以上の場合、追加1サンプルごと25,000円
例) 6サンプルの場合は200,000円

納期

15営業日

データ量

10万リード程度

ご提供
サンプル

抽出DNA (5ng/ul、液量20ul以上)
※試料 (DNA抽出前のサンプル) での受入れも可能です。
DNA抽出料金32,000円/8サンプルが別途かかります。

ゲノム解析

イルミナ社の次世代シーケンサーで得られたデータと組み合わせることで、より高度なアセンブルデータが得られます。

<NextSeq(またはMiSeq) と GridIONを使用したゲノム解析>

バクテリアとアーキア	25万円~/サンプル
真核生物(ゲノムサイズ50Mb以下)	30万円~/サンプル
真核生物(ゲノムサイズ50Mb以上)	40万円~/サンプル

※イルミナ社の取得済みのシーケンスデータをご提供いただき、新たに取得したGridIONのデータを組み合わせることでデータ解析することも可能です。

RNA-seq解析

cDNAを解析するのではなく、RNAをダイレクトに解析します。

<ご利用例>

1) 非モデル生物の発現遺伝子カタログの作成

イルミナ社の次世代シーケンサーで得られたショートリードのデータと組み合わせ、高度なデノボトランスクリプトームアセンブリーを行います。

2) メタトランスクリプトーム解析

価格: 20万円~/サンプル 納期: 20営業日~